

Sequence Listing

SEQ ID NO: 1: SAP amino acid sequence

A G K T F P D V P A D H W G I D

S I N Y L V E K G A V K G N D

K G M F E P G K E L T R A E A

A T M M A Q I L N L P I D K D

A K P S F A D S Q G Q W Y T P

F I A A V E K A G V I K G T G

N G F E P N G K I D R V S M A

S L L V E A Y K L D T K V N G

T P A T K F K D L E T L N W G

K E K A N I L V E L G I S V G

T G D Q W E P K K T V T K A E

A A Q F I A K T D K Q F G T E

A A K V E S A K A V T T Q K V

E V K F S K A V E K L T K E D

I K V T N K A N N D K V L V K

E V T L S E D K R S A T V E L

Y S N L A A K Q T Y T V D V N

K V G K T E V A V G S L E A K

T I E M A D Q T V V A D E P T

A L Q F T V K D E N G T E V V

S P E G I E F V T P A A E K I

N A K G E I T L A K G T S T T

V K A V Y K K D G K V V A E S

K E V K V S A E G A A V A S I

S N W T V A E Q N K A D F T S

K D F K Q N N K V Y E G D N A

Y V Q V E L K D Q F N A V T T

GKVEYESLNTEVAVV  
DKATGKVTVLSAGKA  
PVKVTVKDSKGKALV  
SHTVEIEAFAQKAMK  
DIKLEKTNVALSTKD  
VTDLKVKAPVLDQYG  
KEFTAPVTVKVLDKD  
GKELKEQKLEAKYVN  
RELVLNAAGQEAGNY  
TVVLTAKSGEKEAKA  
TLALELKAPGAFSKF  
EVRGLDTELDKYVTE  
ENQKNAMTVSVLPVD  
ANGLVLKGAEAAELK  
VTTTNKEGKEVDATD  
AQVTVQNNSVITVGQ  
GAKAGETYKVTVVLD  
GKLITTHSFKVVDTA  
PTAKGLAVEFTSTSL  
KEVAPNADLKAALLN  
ILSVDGVPATTAKAT  
ASNVEFVSADTNVVA  
ENGTVGAKGATSIYV  
KNLTVVKDGKEQKVE  
FDKAVQVAVSIKEAK  
PATK

SEQ ID NO: 2 SAP nucleotide sequence

AAAACATTCCCAGACGTTCTGCTGATCACTG  
GGGAATTGATTCCATTAAGTACTTAGTAGAAAAAGGCGCAGTTAAAGGTA  
ACGACAAAGGAATGTTTCGAGCCTGGAAAAGAATTAAGTCTGTCAGAAGCA  
GCTACAATGATGGCTCAAATCTTAACTTACCAATCGATAAAGATGCTAA  
ACCATCTTTTCGCTGACTCTCAAGGCCAATGGTACACTCCATTTCATCGCAG  
CTGTAGAAAAAGCTGGCGTTATTAAAGGTACAGGAAACGGCTTTGAGCCA  
AACGGAAAAATCGACCGCGTTTCTATGGCATCTCTTCTTGTAGAAGCTTA  
CAAATTAGATACTAAAGTAAACGGTACTCCAGCAACTAAATTCAAAGATT  
TAGAAACATTAACTGGGGTAAAGAAAAAGCTAACATCTTAGTTGAATTA  
GGAATCTCTGTTGGTACTGGTGTATCAATGGGAGCCTAAGAAAACTGTAAC  
TAAAGCAGAAGCTGCTCAATTCATTGCTAAGACTGACAAGCAGTTCGGTA  
CAGAAGCAGCAAAAGTTGAATCTGCAAAAGCTGTTACAACCTCAAAAAGTA  
GAAGTTAAATTCAGCAAAGCTGTTGAAAAATTAAGTAAAGAAGATATCAA  
AGTAACATAACAAAGCTAACAACGATAAAGTACTAGTTAAAGAGGTAAGTT  
TATCAGAAGATAAAAGATCTGCTACAGTTGAATTATATAGTAAGTTAGCA  
GCTAAACAACTTACACTGTAGATGTAAACAAAGTTGGTAAACAGAAGT  
AGCTGTAGGTTCTTTAGAAGCAAAAACAATCGAAATGGCTGACCAACAG  
TTGTAGCTGATGAGCCAACAGCATTACAATTCACAGTTAAAGATGAAAAC  
GGTACTGAAGTTGTTTCACAGAGGGTATTGAATTTGTAACGCCAGCTGC  
AGAAAAAATTAATGCAAAAGGTGAAATCACTTTAGCAAAAGGTACTTCAA  
CTACTGTAAAAGCTGTTTATAAAAAAGACGGTAAAGTAGTAGCTGAAAGT  
AAAGAAGTAAAGTTTCTGCTGAAGGTGCTGCAGTAGCTTCAATCTCTAA  
CTGGACAGTTGCAGAACAAAATAAAGCTGACTTTACTTCTAAAGATTTC  
AACAAAACAATAAAGTTTACGAAGGCGACAACGCTTACGTTCAAGTAGAA  
TTGAAAGATCAATTTAACGCAGTAACAACCTGGAAAAGTTGAATATGAGTC  
GTAAACACAGAAAGTTGCTGTAGTAGATAAAGCTACTGGTAAAGTAACTG  
TATTATCTGCAGGAAAAGCACCAGTAAAGTAACTGTAAAAGATTCAAAA  
GGTAAAGCACTTGTTTCACACACAGTTGAAATTGAAGCTTTTCGCTCAAAA  
AGCAATGAAAGACATTAAATTAGAAAAAACTAACGTAGCGCTTTCTACAA  
AAGATGTAAACAGATTTAAAAGTAAAAGCTCCAGTACTAGATCAATACGGT  
AAAGAGTTTACAGCTCCTGTAAACAGTGAAAGTACTTGATAAAGATGGTAA  
AGAATTTAAAAGAACAAAAATTAGAAGCTAAATATGTGAACAGAGAATTAG  
TTCTGAATGCAGCAGGTCAAGAAGCTGGTAAATTATACAGTTGTATTAAGT  
GCAAAATCTGGTGAAAAAGAAGCAAAAGCTACATTAGCTCTAGAATTAAA  
AGCTCCAGGTGCATTCTCTAAATTTGAAGTTTCGTGGTTTAGACACAGAAT  
TAGATAAATATGTTACTGAGGAAAACCAAAAAGAATGCAATGACTGTTTCA  
GTTCTTCTCTGTAGATGCAATGGATTAGTATTAAAAGGTGCAGAAGCAGC  
TGAACATAAAAGTAACAACAACAACAAGAAGGTAAAGAAGTAGACGCAA  
CTGATGCACAAGTTACTGTACAAAATAACAGTGTAATTACTGTTGGTCAA  
GGTGCAAAAGCTGGTGAGACTTATAAAGTAACAGTTGTACTAGATGGTAA  
ATTAATCACAACCTCATTCAATTCAAAGTTGTTGATACAGCACCAACTGCTA  
AAGGATTAGCAGTAGAATTTACAAGCACATCTCTTAAAGAAGTAGCTCCA  
AATGCTGATTTAAAAGCTGCACTTTTAAATATCTTATCTGTTGATGGTGT  
ACCTGCGACTACAGCAAAAGCAACAGCTTCTAATGTAGAATTTGTTTCTG  
CTGACACAAATGTTGTAGCTGAAAATGGTACAGTTGGTGCAAAAGGTGCA  
ACATCTATCTATGTGAAAAACCTGACAGTTGTAAAAGATGGAAAAGAGCA  
AAAAGTAGAATTTGATAAAGCTGTACAAGTTGCAGTTTCTATTAAAGAAG

CAAAACCTGCAACAAAACATCACCATCACCATCACTAA

SEQ ID NO: 2 SAP nucleotide sequence

AAAACATTCCCAGACGTTCTGCTGATCACTG  
 GGGGAATTGATTCCATTAACCTAGTAGAAAAAGGCGCAGTTAAAGGTA  
 ACGACAAAGGAATGTTTCGAGCCTGGAAAAGAATTAACCTCGTGCAGAAGCA  
 GCTACAATGATGGCTCAAATCTTAACTTACCAATCGATAAAGATGCTAA  
 ACCATCTTTTCGCTGACTCTCAAGGCCAATGGTACACTCCATTCATCGCAG  
 CTGTAGAAAAAGCTGGCGTTATTAAAGGTACAGGAAACGGCTTTGAGCCA  
 AACGGAAAAATCGACCGCGTTTCTATGGCATCTCTTCTTGTAGAAGCTTA  
 CAAATTAGATACTAAAGTAAACGGTACTCCAGCAACTAAATTCAAAGATT  
 TAGAAACATTAACTGGGGTAAAGAAAAAGCTAACATCTTAGTTGAATTA  
 GGAATCTCTGTTGGTACTGGTGATCAATGGGAGCCTAAGAAAACTGTAAC  
 TAAAGCAGAAGCTGCTCAATTCATTGCTAAGACTGACAAGCAGTTCGGTA  
 CAGAAGCAGCAAAAAGTTGAATCTGCAAAAAGCTGTTACAACCTAAAAAGTA  
 GAAGTTAAATTCAGCAAAGCTGTTGAAAAATTAACCTAAAGAAGATATCAA  
 AGTAACTAACAAAGCTAACACGATAAAGTACTAGTTAAAGAGGTAACCTT  
 TATCAGAAGATAAAAGATCTGCTACAGTTGAATTATATAGTAACTTAGCA  
 GCTAAACAACTTACACTGTAGATGTAAACAAAGTTGGTAAAACAGAAGT  
 AGCTGTAGGTTCTTTAGAAGCAAAAACAATCGAAATGGCTGACCAAACAG  
 TTGTAGCTGATGAGCCAAACAGCATTACAATTCACAGTTAAAGATGAAAAC  
 GGTACTGAAGTTGTTTCACCAGAGGGTATTGAATTTGTAACGCCAGCTGC  
 AGAAAAAATTAATGCAAAAAGGTGAAATCACTTTAGCAAAAAGGTACTTCAA  
 CTAAGTGTAAAAGCTGTTTATAAAAAAGACGGTAAAGTAGTAGCTGAAAGT  
 AAAGAAGTAAAAGTTTCTGCTGAAGGTGCTGCAGTAGCTTCAATCTCTAA  
 CTGGACAGTTGCAGAACAAAATAAAGCTGACTTTACTTCTAAAGATTTCA  
 AACAAAACAATAAAGTTTACGAAGGCGACAACGCTTACGTTCAAGTAGAA  
 TTGAAAGATCAATTTAACGCAGTAACAACCTGGAAAAGTTGAATATGAGTC  
 GTTAAACACAGAAGTTGCTGTAGTAGATAAAGCTACTGGTAAAGTAACTG  
 TATTATCTGCAGGAAAAGCACCAGTAAAAGTAACTGTAAAAGATTCAAAA  
 GGTAAGCACTTGTTTCACACACAGTTGAAATTGAAGCTTTCGCTCAAAA  
 AGCAATGAAAGACATTAAATTAGAAAAAACTAACGTAGCGCTTTCTACAA  
 AAGATGTAAACAGATTTAAAAGTAAAAGCTCCAGTACTAGATCAATACGGT  
 AAAGAGTTTACAGCTCCTGTAAACAGTGAAAGTACTTGATAAAGATGGTAA  
 AGAATTAAGAACAACAAAATTAGAAGCTAAATATGTGAACAGAGAATTAG  
 TTCTGAATGCAGCAGGTCAAGAAGCTGGTAATTATACAGTTGTATTAAC  
 GCAAAATCTGGTGAAAAAGAAGCAAAAAGCTACATTAGCTCTAGAATTA  
 AGCTCCAGGTGCATTCTCTAAATTTGAAGTTCGTGGTTTAGACACAGAAT  
 TAGATAAATATGTTACTGAGGAAAACCAAAAAGAATGCAATGACTGTTTCA  
 GTTCTTCCTGTAGATGCAAATGGATTAGTATTAAGGTGCAGAAGCAGC  
 TGAACATAAAGTAACAACAACAACAAGAAGGTAAAGAAGTAGACGCAA  
 CTGATGCACAAGTTACTGTACAAAATAACAGTGTAATTACTGTTGGTCAA  
 GGTGCAAAAAGCTGGTGAGACTTATAAAGTAACAGTTGTACTAGATGGTAA  
 ATTAATCACAACCTATTCATTCAAAGTTGTTGATACAGCACCAACTGCTA  
 AAGGATTAGCAGTAGAATTTACAAGCACATCTCTTAAAGAAGTAGCTCCA  
 AATGCTGATTTAAAAGCTGCACTTTTAAATATCTTATCTGTTGATGGTGT  
 ACCTGCGACTACAGCAAAAAGCAACAGCTTCTAATGTAGAATTTGTTTCTG  
 CTGACACAAATGTTGTAGCTGAAAATGGTACAGTTGGTGCAAAAAGGTGCA  
 ACATCTATCTATGTGAAAAACCTGACAGTTGTAAAAGATGGAAAAGAGCA  
 AAAAGTAGAATTTGATAAAGCTGTACAAGTTGCAGTTTCTATTAAAGAAG

CAAAACCTGCAACAAAACATCACCATCACCATCACTAA

[illegible]